

## Sledenje različicam SARS-CoV-2 v Nacionalnem laboratoriju za zdravje, okolje in hrano

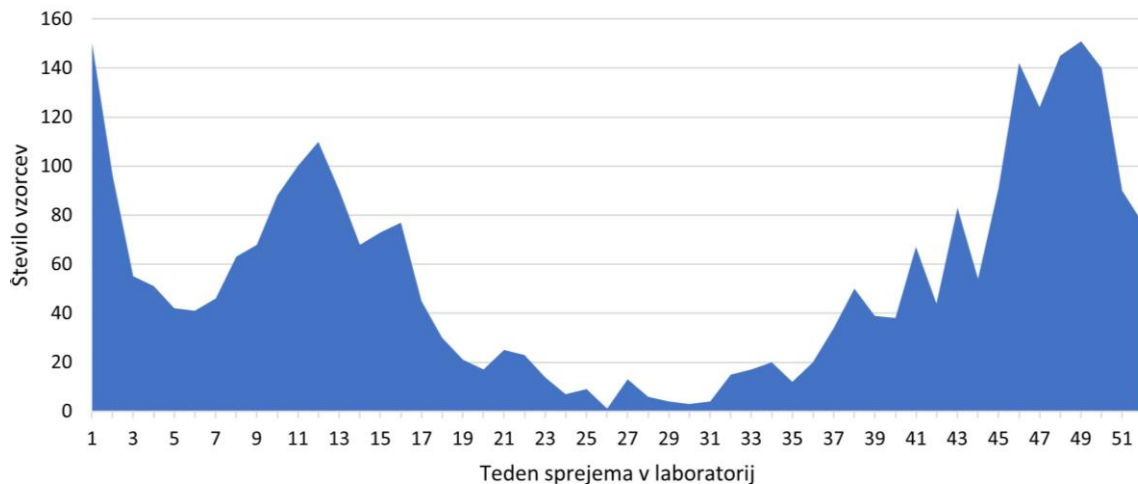
### Poročilo št. 105

#### A) Sekvenciranje zaporedij celotnih genomov virusa SARS-CoV-2

Od 1. 1. 2021 do 14. 1. 2024 smo s sekvenciranjem zaporedij celotnih genomov analizirali 47.898 vzorcev. Od tega je bilo 26.204 genomov sekvenciranih v sodelovanju s Kliničnim inštitutom za specialno laboratorijsko diagnostiko na Pediatrični kliniki Univerzitetnega kliničnega centra Ljubljana in 8.509 genomov v sodelovanju z ECDC. V tabeli 1 je podan pregled števila analiziranih genomov virusa SARS-CoV-2 od 2020 do 2024 in po tednih za leto 2023. Na sliki 2 so prikazani deleži posameznih skupin različic virusa SARS-CoV-2 od leta 2021 dalje.

Tabela 1: Število analiziranih genomov virusa SARS-CoV-2 od 2020 do 2024 po tednih sprejema vzorcev v laboratorij.

Leto	Teden	Število genomov	Leto	Teden	Število genomov
2020	vse	<b>557</b>	2023	27	13
2021	vse	<b>27.456</b>		28	6
2022	vse	<b>16.961</b>		29	4
2023	vse	<b>2.814</b>		30	3
	1	149		31	4
	2	96		32	15
	3	55		33	17
	4	51		34	20
	5	42		35	12
	6	41		36	20
	7	46		37	34
	8	63		38	50
	9	68		39	39
	10	88		40	38
	11	100		41	67
	12	110		42	44
	13	90		43	83
	14	68		44	54
	15	73		45	91
	16	77		46	142
	17	45		47	124
	18	30		48	145
	19	21		49	151
	20	17		50	140
	21	25		51	90
	22	23		52	77
	23	14	2024	vse	<b>31</b>
	24	7	1	31	
	25	9	<b>Skupaj</b>	<b>47.898</b>	
26	1				



Slika 1: Število uspešno sekvenciranih vzorcev za leto 2023 po tednih.

### B) Različice virusa iz vzorcev analiziranih v obdobju od 8. 1. 2024 do 14. 1. 2024

V zadnjem obdobju smo uspešno sekvencirali genomska zaporedja 97 vzorcev SARS-CoV-2, ki so bili pozitivni na PCR, vsi iz sheme A. Različice virusa so prikazane v tabeli 2.

Tabela 2: Potrjene različice virusa SARS-CoV-2 v vzorcih analiziranih od 8. 1. 2024 do 14. 1. 2024\*

Različica virusa	Število	Različica virusa	Število	Različica virusa	Število
JN.1	13	JN.1.1	3	HH.6	1
JN.1.4	12	EG.5.1	2	HK.27.1	1
EG.5.1.3	10	EG.5.1.1	2	HK.3.1	1
BA.2.86.1	6	GE.1	2	HK.3.2.1	1
HV.1	5	HK.3.2	2	JD.1.1.8	1
JN.10	4	JD.1.1	2	JG.3	1
FL.15.1.1	3	JN.2	2	JN.7	1
GS.4.1	3	XBB.1.16.11	2	KB.1	1
HK.26	3	XBB.1.16.15	2	KC.1	1
HK.3	3	FL.20.1	1	XCT	1
HK.3.9	3	GE.1.5	1	XDD	1
				<b>Skupaj</b>	<b>97</b>

\* vzorci analizirani v tem tednu, so bili odvzeti do nekaj tednov prej.



### C) Spremljanje pomembnih različic virusa

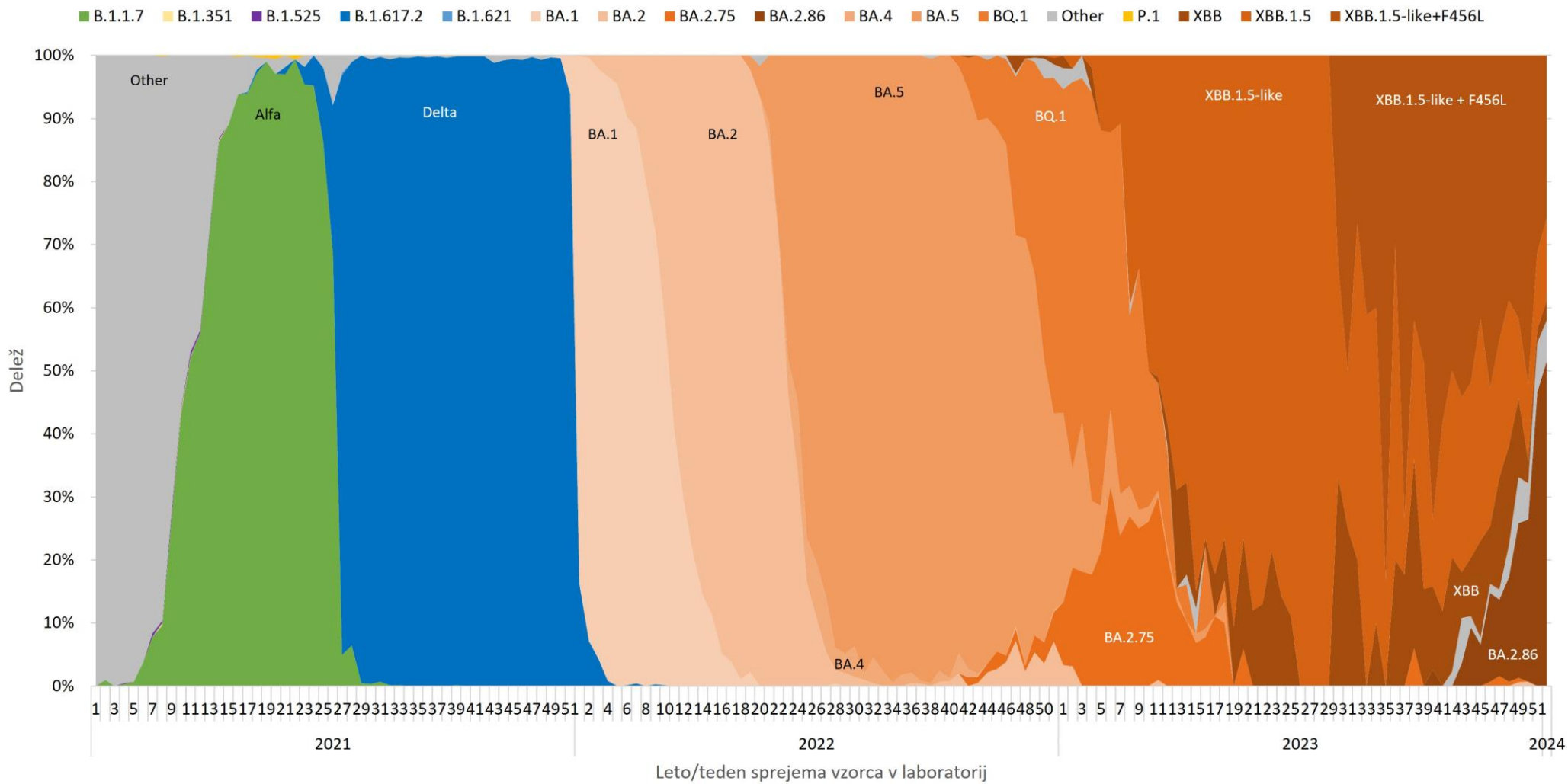
Od 23. 3. 2023 ECDC nobene različice ne uvršča v kategorijo VOC<sup>1</sup> (angl. *Variants of Concern*), medtem ko se podrobneje spremlja linije (in hčerinske linije) BA.2.75, XBB.1.5-like, XBB.1.5-like+F456L in BA.2.86 (VOI; angl. *Variant of Interest*) (Tabela 3).

Tabela 3: Prikaz števila potrjenih primerov različic virusa SARS-CoV-2, ki jih podrobneje spremljamo.

Različica	Število potrjenih primerov (ta serija)	Skupaj potrjenih primerov	Status ECDC <sup>1</sup>
BA.2.75	0	251	VOI
BA.2.86	41	221	VOI
XBB.1.5-like	14	704	VOI
XBB.1.5-like + F456L	36	728	VOI

---

<sup>1</sup> Dostopno na spletni strani ECDC na povezavi: <https://www.ecdc.europa.eu/en/covid-19/variants-concern>



Silka 2: delež skupin različic virusa SARS-CoV-2