



## Sledenje različicam SARS-CoV-2 v Nacionalnem laboratoriju za zdravje, okolje in hrano

### Poročilo št. 104

#### A) Sekvenciranje zaporedij celotnih genomov virusa SARS-CoV-2

Od 1. 1. 2021 do 7. 1. 2024 smo s sekvenciranjem zaporedij celotnih genomov analizirali 47.801 vzorcev. Od tega je bilo 26.204 genomov sekvenciranih v sodelovanju s Kliničnim inštitutom za specialno laboratorijsko diagnostiko na Pediatrični kliniki Univerzitetnega kliničnega centra Ljubljana in 8.509 genomov v sodelovanju z ECDC. V tabeli 1 je podan pregled števila analiziranih genomov virusa SARS-CoV-2 od 2020 do 2023 in po tednih za leto 2023. Na sliki 1 so prikazani deleži posameznih skupin različic virusa SARS-CoV-2 od leta 2021 dalje.

Tabela 1: Število analiziranih genomov virusa SARS-CoV-2 od 2020 do 2024 po tednih sprejema vzorcev v laboratorij.

Leto	Teden	Število genomov	Leto	Teden	Število genomov*
2020	vse	557	2023	27	13
2021	vse	27.456		28	6
2022	vse	16.961		29	4
2023	vse	2.814		30	3
	1	149		31	4
	2	96		32	15
	3	55		33	17
	4	51		34	20
	5	42		35	12
	6	41		36	20
	7	46		37	34
	8	63		38	50
	9	68		39	39
	10	88		40	38
	11	100		41	67
	12	110		42	44
	13	90		43	83
	14	68		44	54
	15	73		45	91
	16	77		46	142
	17	45		47	124
	18	30		48	145
	19	21		49	151
	20	17		50	103
	21	25		51	50
	22	23		52	76
	23	14	2024 vse	13	
	24	7	1	13	
	25	9	skupaj	47.801	
26	1				



## B) Prisotnost in razporeditev različic virusa v obdobju od 18. 12. 2023 do 7. 1. 2024

V zadnjem obdobju smo uspešno sekvencirali genomska zaporedja 190 vzorcev SARS-CoV-2, ki so bili pozitivni na PCR, vsi iz sheme A. Različice virusa so prikazane v tabeli 2.

Tabela 2: Različice virusa SARS-CoV-2, potrjene v vzorcih odvzetih od 18. 12. 2023 do 7. 1. 2024

Različica virusa	Število	Različica virusa	Število	Različica virusa	Število
JN.1	52	HK.26	3	GJ.5.1	1
BA.2.86.1	14	HK.3.2	3	GS.4.1.1	1
JG.3	14	HV.1	3	HK.13	1
JD.1.1	11	HV.1.1	3	HK.27.1	1
HK.3	9	JN.10	3	HK.27.1.1	1
FL.15.1.1	6	FL.1.5.1	2	HN.5	1
EG.5.1.3	5	FY.5.4	2	JN.5	1
JN.1.1	5	JN.2	2	JN.6	1
JY.1	5	JN.4	2	JY.1.1	1
KB.1	5	XBB.1.16.6	2	XBB.1.16	1
XBB.1.16.11	5	XDA	2	XBB.1.16.27	1
FL.20.1	4	BA.2.86.2	1	XCH.1	1
GS.4.1	4	EG.5.1.6	1	XCW	1
EG.5.1	3	EG.5.1.7	1	XDD	1
EG.5.1.1	3	GA.4.1	1	<b>Skupna vsota</b>	<b>190</b>

\* del vzorcev za zadnje dva tedna 2023 in prvi teden 2024 bodo analizirani v prihodnji seriji vzorcev

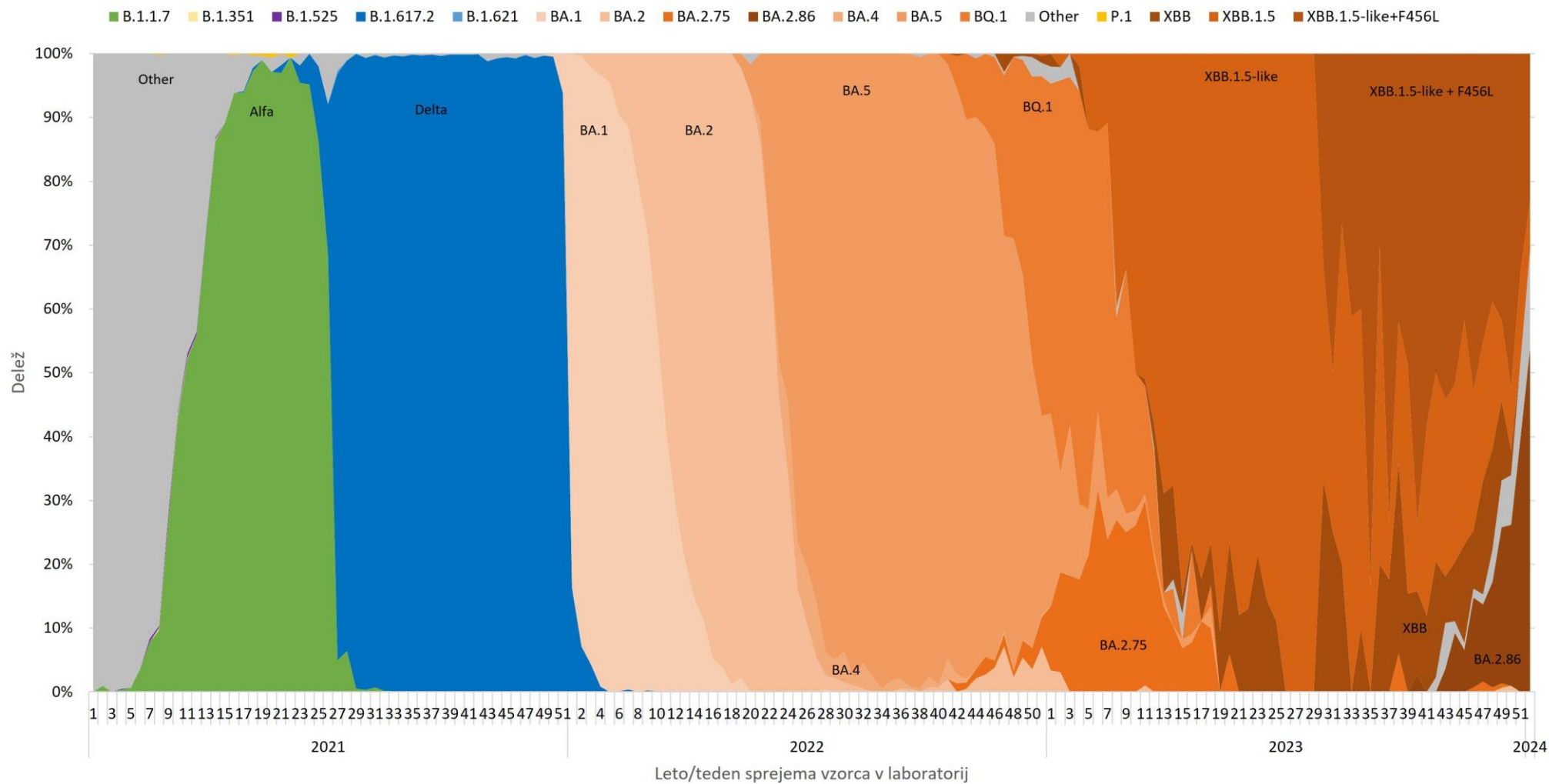
## C) Spremljanje pomembnih različic virusa

Od 23. 3. 2023 ECDC nobene različice ne uvršča v kategorijo VOC<sup>1</sup> (angl. *Variants of Concern*), medtem ko se podrobneje spremlja linije (in hčerinske linije) BA.2.75, XBB.1.5-like, XBB.1.5-like+F456L in BA.2.86 (VOI; angl. *Variant of Interest*) (Tabela 3).

Tabela 3: Prikaz števila potrjenih primerov različic virusa SARS-CoV-2, ki jih podrobneje spremljamo.

Različica	Število potrjenih primerov (ta serija)	Skupaj potrjenih primerov	Status ECDC <sup>1</sup>
BA.2.75	0	251	VOI
BA.2.86	72	180	VOI
XBB.1.5-like	24	690	VOI
XBB.1.5-like + F456L	66	692	VOI

<sup>1</sup> Dostopno na spletni strani ECDC na povezavi: <https://www.ecdc.europa.eu/en/covid-19/variants-concern>



Silka 1: delež skupin različic virusa SARS-CoV-2