



Sledenje različicam SARS-CoV-2 v Nacionalnem laboratoriju za zdravje, okolje in hrano

Poročilo št. 98

A) Sekvenciranje zaporedij celotnih genomov virusa SARS-CoV-2

Od 1. 1. 2021 do 5. 11. 2023 smo s sekvenciranjem zaporedij celotnih genomov analizirali 46.893 vzorcev. Od tega je bilo 26.204 genomov sekvenciranih v sodelovanju s Kliničnim inštitutom za specialno laboratorijsko diagnostiko na Pediatrični kliniki Univerzitetnega kliničnega centra Ljubljana in 8.509 genomov v sodelovanju z ECDC. V tabeli 1 je podan pregled števila analiziranih genomov virusa SARS-CoV-2 od 2020 do 2023 in po tednih za leto 2023.

Tabela 1: Število analiziranih genomov virusa SARS-CoV-2 od 2020 do 2023.

Leto	Teden	Število genomov	Leto	Teden	Število genomov*
2020	vse	557	2023	22	23
2021	vse	27.456		23	14
2022	vse	16.961		24	7
2023	vse	1.744		25	9
	1	149		26	1
	2	96		27	13
	3	55		28	6
	4	51		29	4
	5	42		30	3
	6	41		31	4
	7	46		32	15
	8	63		33	17
	9	68		34	20
	10	88		35	12
	11	100		36	20
	12	110		37	34
	13	90		38	50
	14	68		39	39
	15	73		40	38
	16	77		41	67
	17	45		42	44
	18	30	43	83	
	19	21	44	41	
	20	17			
21	25				
			Skupaj vse	46.893	

* Podatki za zadnjih nekaj tednov se lahko v prihodnje spremenijo zaradi obdelave nekaj tednov starih vzorcev.



B) Prisotnost in razporeditev različic virusa v obdobju od 13. 10. do 5. 11. 2023

V zadnjem obdobju smo sekvencirali genomska zaporedja 175 vzorcev SARS-CoV-2, ki so bili pozitivni na PCR, vsi iz sheme A. Različice virusa so prikazane v tabeli 2.

Tabela 2: Različice virusa SARS-CoV-2, potrjene v vzorcih odvzetih od 13. 10. do 5. 11. 2023.

Različica virusa	Število	Različica virusa	Število	Različica virusa	Število
EG.5.1	14	EG.5.1.7	3	EG.2	1
XBB.1.16.6	11	XBB.1.16.15	3	FL.15.1.1	1
EG.10.1	10	XBB.1.42.1	3	FL.3	1
GE.1	10	FL.1.5	2	FU.2	1
EG.5.1.3	9	FL.20.1	2	FY.5	1
GS.4.1	8	GE.1.1	2	FY.8	1
HK.3	8	GJ.1.2.4	2	HK.15	1
EG.5.1.1	7	GK.1.1	2	HK.3.4	1
HV.1	7	GL.1	2	XBB.1.16	1
FL.1.5.1	6	GS.4.1.1	2	XBB.1.16.14	1
JD.1.1	6	JE.1	2	XBB.1.22	1
XBB.1.16.11	6	JG.3.1	2	XBB.1.5.94	1
JA.1	5	JN.3	2	XBB.2.3	1
BA.2.86.1	4	XBB.2.3.2	2	XBB.2.3.5	1
EG.5.1.6	4	XCH.1	2	XCL	1
EG.6.1	4	XDA	2	XCW	1
JF.1	4	BA.2.86.2	1	Skupna vsota	175

C) Spremljanje pomembnih različic virusa

Od 23. 3. 2023 ECDC nobene različice ne uvršča v kategorijo VOC¹ (angl. *Variants of Concern*), medtem ko se podrobneje spremlja linije (in hčerinske linije) BA.2.75, XBB.1.5-like in XBB.1.5-like+F456L (VOI; angl. *Variant of Interest*) in BA.2.86 in XBB.1.16 (VUM, angl. *Variant Under Monitoring*) (Tabela 3).

Tabela 3: Prikaz števila potrjenih primerov različic virusa SARS-CoV-2, ki jih podrobneje spremljamo.

Različica	Število potrjenih primerov (ta serija)	Skupaj potrjenih primerov	Status ECDC ¹
BA.2.75	0	252	VOI
XBB.1.5-like	60	524	VOI
XBB.1.5-like + F456L	96	277	VOI
XBB.1.16	23	74	VUM
BA.2.86	5	6	VUM

¹ Dostopno na spletni strani ECDC na povezavi: <https://www.ecdc.europa.eu/en/covid-19/variants-concern>