



Maribor, 27. 9. 2022

## Sledenje različicam SARS-CoV-2 v Nacionalnem laboratoriju za zdravje, okolje in hrano

### Poročilo št. 76

#### A) Sekvenciranje zaporedij celotnih genomov

Od 1. 1. 2021 do 17. 9. 2022 smo s sekvenciranjem zaporedij celotnih genomov analizirali 41.161 vzorcev. Od tega je bilo 26.204 genomov sekvenciranih v sodelovanju s Kliničnim inštitutom za specialno laboratorijsko diagnostiko na Pediatrični kliniki Univerzitetnega kliničnega centra Ljubljana in 8.509 genomov v sodelovanju z ECDC. Od vseh sekvenciranih je 13.148 vzorcev iz leta 2022. V tabeli 1 je podan pregled števila analiziranih genomov po tednih v letu 2022.

Tabela 1. Število analiziranih genomov med 2020 in 2022.

Leto	Teden	Število genomov	Leto	Teden	Število genomov
<b>2020</b>		<b>557</b>	<b>2022</b>	18	104
<b>2021</b>		<b>27.456</b>		19	95
<b>2022</b>		<b>13.148</b>		20	62
	52	138		21	66
	1	1686		22	56
	2	1525		23	54
	3	282		24	71
	4	481		25	141
	5	308		26	194
	6	721		27	241
	7	506		28	313
	8	385		29	331
	9	376		30	270
	10	678		31	204
	11	656		32	200
	12	534		33	214
	13	562		34	188
	14	322		35	165
	15	302		36	191
	16	175		37	207
	17	143		<b>Skupaj</b>	<b>41.161</b>



**B) Prisotnost in razporeditev različic virusa v obdobju od 4. 9. do 17. 9. 2022**

V zadnjem dvotedenskem obdobju smo uspešno sekvencirali genomska zaporedja 410 vzorcev, 408 iz sheme A in 2 vzorca iz sheme C (naročila epidemiologov). V vseh vzorcih je bila prisotna različica omikron (Tabela 2).

**Tabela 2. Različice virusa SARS-CoV-2, potrjene v vzorcih odvzetih od 21. 8. do 15. 9. 2022.**

<b>Različica virusa</b>	<b>Shema A</b>	<b>Shema C</b>	<b>Skupaj</b>
<b>BA.5</b>	<b>401</b>	<b>2</b>	<b>403</b>
BA.5.1	126		126
BA.5.2	96		96
BA.5.2.1	51	1	52
BF.7	25		25
BE.1.1	21		21
BA.5.1.10	16		16
BF.5	15		15
BA.5.9	10		10
BE.1	8		8
BF.8	7		7
BF.14	4		4
BA.5.1.2	4		4
BA.5.2.3	4		4
BF.10	3		3
BA.5	3		3
BA.5.1.5	2		2
BF.1	1	1	2
BA.5.6	1		1
BA.5.3.3	1		1
BF.4	1		1
BA.5.1.3	1		1
BA.5.5	1		1
<b>BA.4</b>	<b>5</b>		<b>5</b>
BA.4.6	3		3
BA.4.1	1		1
BA.4.1.5	1		1
<b>BA.2</b>	<b>2</b>		<b>2</b>
BA.2.45	1		1
BA.2	1		1
<b>Skupaj</b>	<b>408</b>	<b>2</b>	<b>410</b>



### C) Prisotnost in razporeditev različic virusa v celotnem letu 2021 in 2022

Med 40.604 vzorci iz leta 2021 in 2022 (iz vseh shem) smo dokazali 240 različic virusa SARS-CoV-2, vključno s podlinijami različice omikron (n=81), delta (n=89) in alfa (n=2). Spreminjanje deležev vseh različic virusa SARS-CoV-2, ki krožijo po Sloveniji, je predstavljeno na grafu v prilogi 1.

### D) Spremljanje pomembnih različic - analiza tekom celotnega obdobja sekvenciranja

**Različico omikron (B.1.1.529 ter podlinije BA.x.)** smo s sekvenciranjem do sedaj potrdili pri 13.880 osebah, 410 novih primerov poročamo v zadnji seriji sekvenciranja (vse sheme).

**Podlinijo BA.1** (BA.1.x) smo do sedaj potrdili pri 7518 osebah.

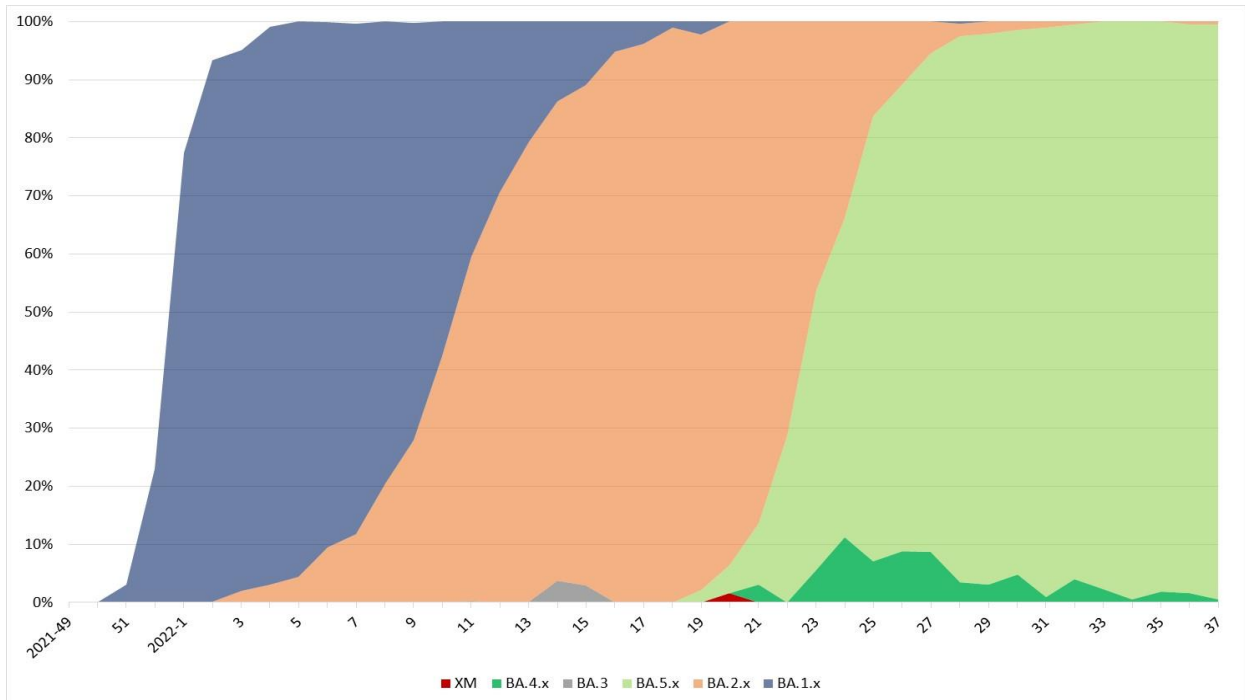
**Podlinijo BA.2** (BA.2.x) (VOC) smo do sedaj potrdili pri 3132 osebah, 2 nova primera poročamo v tej seriji.

**Podlinijo BA.3** smo skupaj potrdili pri 24 osebah.

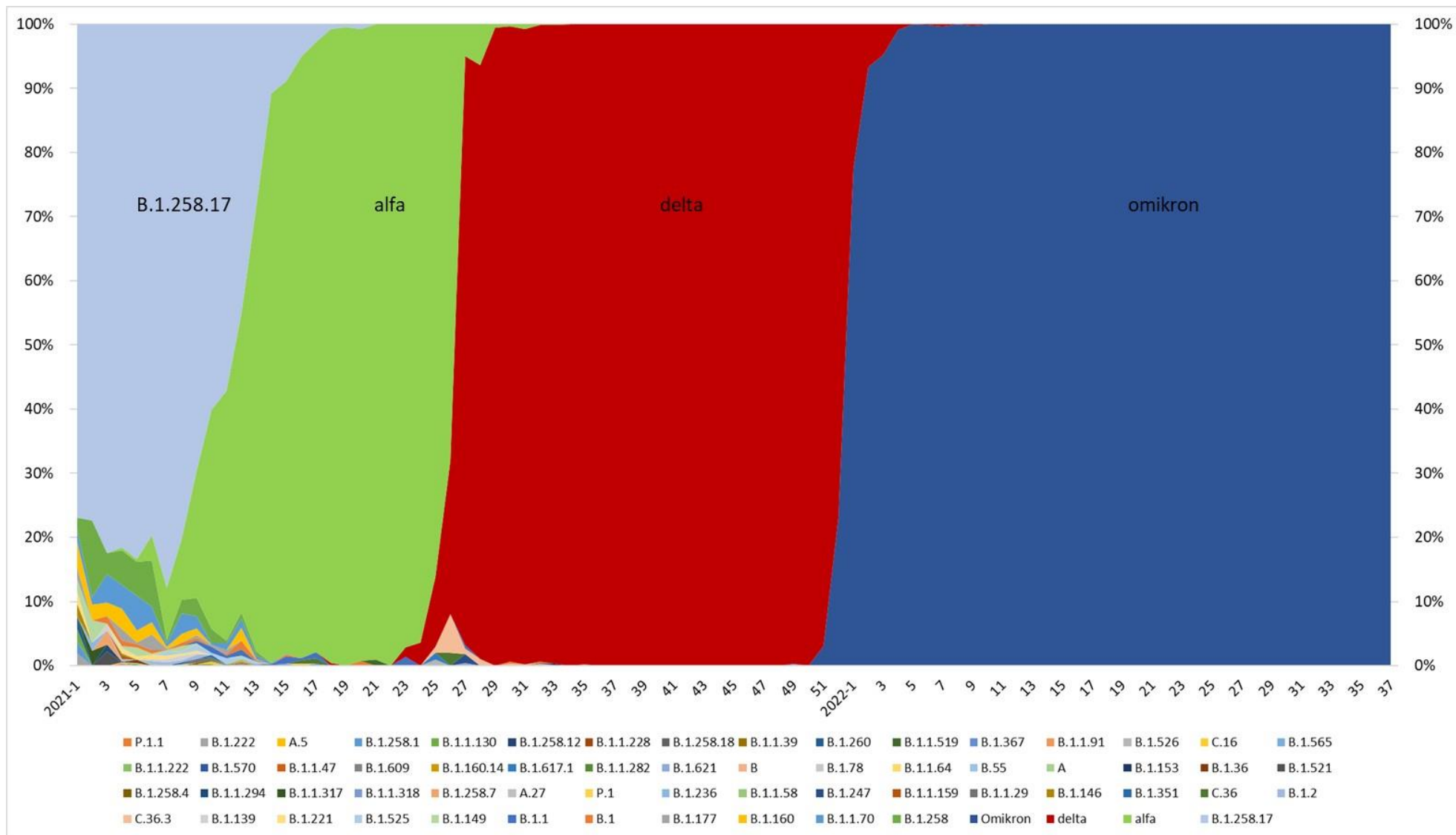
**Podlinijo BA.4** (BA.4.x) (VOC) smo potrdili pri 112 osebah, 3 novih primerov poročamo v tej seriji sekvenciranja.

**Podlinijo BA.5** (BA.5.x) (VOC) smo do sedaj potrdili pri 2767 osebah, 403 nove primere poročamo v zadnji seriji sekvenciranja.

Naraščanje pojavnosti podlinij različice omikron spremljamo na podlagi sheme A, za katero so deležne zastopanosti po tednih prikazane na grafu 1.



**Graf 1. Deležna zastopnost podlinij različice omikron po tednih.**



Priloga 1. Graf prikazuje deležno zastopanost [%] posameznih različ SARS-CoV-2 po tednih (shema A).